

Correction DM 1^{ère} partie poly 3

1/	ABD	2/	AD	3/	ABC	4/	E
5/	AD	6/	ABCD	7/	A	8/	BD
9/	CD	10	BC	11/	ABCD	12/	BC
13/	AC	14/	BC	15/	C	16/	BC
17/	E	18/	ABC				

QCM 1 Réponses ABD

C) Faux : les codons stop mettent fin à la traduction

QCM 2 Réponses AD

B) Faux : l'ARNm est décodé selon un unique cadre de lecture, déterminé par le codon AUG initiateur de la traduction

C) Faux : Un codon donné correspond toujours au même acide aminé

QCM3 : Réponses AB C

C) Vrai : c'est la séquence de Kozak

D) Faux : interrompus par un codon stop prématuré ! Et ce n'est en aucun cas une mutation qui engendre le codon stop : c'est justement le cadre de lecture

QCM 4 : Réponse E

A) Faux : Une mutation neutre n'a aucun effet : on garde le même acide aminé/ Là c'est une mutation conservative

B) Faux : Une mutation non-conservative substitue un acide aminé par un autre acide aminé de nature différente/ Là c'est une mutation non-sens

C) Faux : Une mutation conservative substitue un acide aminé par un autre acide aminé de même nature/ Là c'est une mutation non-conservative

D) Faux : Une mutation non-sens transforme un codon en codon-stop/Là c'est une mutation non-conservative

E) Vrai

QCM 5 : Réponses A et D

B) Faux : orientation antiparallèle

C) Faux : seulement 48 ARNt pour 64 codons, grâce au Wobble

QCM 6 : Réponses ABCD D

QCM 7 : Réponse A

On trouve une tige acceptrice, un site de fixation d'acide amine et 3 boucles, dont celle de l'anticodon.

QCM 8 : Réponses B et D

A) Faux : assurent la fiabilité de la traduction

B) Vrai mais attention : voir C)

C) Faux : la sérine et la sélénocystéine utilisent la même aaRs / Par contre, il y a deux aaRs différentes pour les méthionines initiatrices et les méthionines non initiatrices , d'où B) juste

D) Vrai

QCM 9 Réponses CD

A) Faux : ribosome = protéines + ARN_r (ARN_{ribosomique})

B) Faux : se déplace le long de l'ARNm !

QCM 10 Réponses BC

Les a.a sont reliés entre eux par une liaison peptidique, et une liaison peptidique est une liaison covalente !

QCM 11 Réponses ABCD

QCM 12 Réponses BC

Le complexe de pré-initiation chez les procaryotes se lie à l'ARNm à proximité du codon AUG, au niveau de la séquence Shine Dalgarno.

QCM 13 Réponses AC

B) La séquence de Shine Dalgarno est la séquence au niveau de laquelle le complexe de pré-initiation se lie à l'ARNm chez les procaryotes.

D) Hydrolyse de GTP

QCM 14 BC

A) Faux : à chaque codon se fixe un ARNt chargé

D) Faux : de 5' vers 3'

QCM 15 Réponse C

A) Faux : les ARNt chargés se fixent au site A

B) Faux : éjection des ARNt vides au niveau du site E

D) chronologiquement, passage A -> P -> E

QCM 16 Réponses BC

A) il n'existe pas d'ARNt pour les codons STOP !

D) WTF? protéasome??? Elles sont réutilisables les sous unités 😊

QCM 17 Réponse E

A) ATB inutiles contre les infections virales

B) ATB utilisés contre les infections bactériennes

C) si si

D) nan nan

QCM 18 Réponses ABC

D) hélice alpha et feuille bêta -> structure secondaire !!