

CORRECTION DM partie 2 poly 1

36/ F : ADN = succession de nucléotide (Phosphate + pentose + base azotée)

37/ F : puriques = A et G / pyrimidiques = T et C

38/ F : Dans l'ADN, c'est un désoxyribose (+++)

39/ V

40/ F : une purine avec un pyrimidine (A avec T ou G avec C)

41/ F : le nombre de liaisons est exacte mais ce sont des liaisons Hydrogènes qui sont des liaisons faibles, et non covalents !

42/ V

43/ F : la transcription

44/ V

45/ V

46/ F : c'est l'inverse : l'ARNt s'apparie à une séquence spécifique de l'ARNm (codons)

47/ V

48/ F : l'activation de l'acide aminé se fait grâce à de l'ATP

49/ V

50/ F !! A un codon correspond un unique acide aminé ! Par contre, à un acide aminé peut correspondre plusieurs codons ! (+++)

51/ V

52/ F : il existe bien 3 codons stop, mais qui ne correspondent à aucun acide aminé !!

53/ F : c'est spécifique des eucaryotes

54/ F : inverse : exons = séquences codantes / introns = séquences non codantes

55/ V

56/ F : un ARNm mature a subi l'épissage et n'a donc plus d'introns ! Si on parle d'introns on parle de l'ARNm prémessager

57/ F : Le gène est une séquence d'ADN

58/ V

59/ V

60/ V

61/ V

62/ V (UE 11 <3 <3 <3 <3 <3 <3 <3)

63/ V (UE 11 <3 <3 <3 <3 <3 <3 <3)

64/ V (UE 11 <3 <3 <3 <3 <3 <3 <3)

65/ F : aux extrémités 3'-OH ! (l'extrémité 5' correspond à un phosphate)

66/ V

67/ F : 2ⁿ copies au bout de n cycles

68/ F : Pendant la PCR, la température varie de façon cyclique : 95° / 50-60° / 72°

69/ V

70/ F : il faut des diNucléotides Tri Phosphate (dNTP) , et pas de simples nucléotides !

71/ V

72/ V

73/ F : dénaturation, hybridation puis élongation

74/ F : étape de dénaturation nécessite une haute température pour rompre les liaisons H entre les bases complémentaires

75/ V (la base)

76/ V

77/ V