

1/	ABD	2/	BCD	3/	ABCD	4/	ABC	5/	BCD	6/	ABD	7/	AB
8/	B	9/	D	10/	D	11/	ACD	12/	D	13/	BC	14/	AD
15/	AB	16/	AD	17/	CD	18/	E	19/	BC	20/	ABC		

**QCM 1 : ABD**

- A) VRAI
- B) VRAI
- C) FAUX : avec la fonction amiDe et non amiNe
- D) VRAI
- E) FAUX

**QCM 2 : BCD**

- A) FAUX : A pH 7.0, le peptide A a une charge nette +1, tandis que le peptide M a une charge nette +2.
- B) VRAI
- C) VRAI : après section de la trypsine sur le peptide M on obtient 3 peptides : NGK / YLFR / SA. Phosphorylation possible sur Y et S.
- D) VRAI : après action de la trypsine sur les peptides A et M on obtient chacun 3 peptides : NGK / YLFR / EA et NGK / YLFR / SA. Hydroxylation possible sur K.
- E) FAUX

**QCM 3 : ABCD**

- A) VRAI
- B) VRAI
- C) VRAI
- D) VRAI
- E) FAUX

**QCM 4 : ABC**

- A) VRAI
- B) VRAI
- C) VRAI : l'enzyme est saturée en substrat
- D) FAUX : Pour avoir une cinétique d'ordre 0 il faut que le substrat soit saturant pour l'enzyme, donc en concentration importante.
- E) FAUX

**QCM 5 : BCD**

- A) FAUX : Elles sont sécrétées sous forme inactive (proenzyme) et sont activées dans l'intestin.
- B) VRAI
- C) VRAI
- D) VRAI : Ca peut aussi l'inactiver.
- E) FAUX

**QCM 6 : ABD**

- A) VRAI
- B) VRAI
- C) FAUX : il existe aussi des effecteurs positifs.
- D) VRAI : un effecteur négatif stabilise la forme T donc pour faire basculer l'enzyme vers la forme R il faudra plus de substrat.
- E) FAUX

**QCM 7 : AB**

- A) VRAI
- B) VRAI
- C) FAUX : L'hydrolyse de la liaison HPE du PEP libère plus d'énergie.
- D) FAUX : C'est CPK-8
- E) FAUX

**QCM 8 : B**

- A) FAUX : pas de régulation de phosphoglucomutase.
- B) VRAI
- C) FAUX : PP1 est active en présence d'insuline (dégradation de l'inhibiteur 1).
- D) FAUX : Non rien à voir avec la régulation de la PhK.

E) FAUX

**QCM 9 : D**

- A) FAUX : Hexokinase oui mais pas pour la glucokinase.
- B) FAUX : Le 2,3-bisPG est une molécule qui permet la modulation de l'affinité de l'hémoglobine pour l'O<sub>2</sub>.
- C) FAUX : Pas la totalité
- D) VRAI
- E) FAUX

**QCM 10 : D**

- A) FAUX : permet la réduction du NADP<sup>+</sup>
- B) FAUX : c'est un intermédiaire
- C) FAUX : la G6PDH ne nécessite pas de TPP, mais du Mg<sup>2+</sup>
- D) VRAI
- E) FAUX

**QCM 11 : ACD**

- A) VRAI
- B) FAUX : il y a relargué par la respiration
- C) VRAI
- D) VRAI
- E) FAUX

**QCM 12 : D**

- A) FAUX : C'est le malonyl-CoA qui sera donneur de carbones.
- B) FAUX : Le glucagon favorise la forme inactive.
- C) FAUX : Il peut avoir d'autres origines (enzyme malique)
- D) VRAI
- E) FAUX

**QCM 13 : BC**

- A) FAUX : Le propionyl-CoA provient de la B-oxydation des AG impaires (3C).
- B) VRAI
- C) VRAI
- D) FAUX : Il peut aussi être transformé en aspartate.
- E) FAUX

**QCM 14 : AD**

- A) VRAI
- B) FAUX : Inhibition de la PK par le glucagon.
- C) FAUX : L'adrénaline stimule la glycogénolyse. Cet item aurait été vrai en mettant insuline au lieu d'adrénaline
- D) VRAI
- E) FAUX

**QCM 15 : AB**

- A) VRAI
- B) VRAI
- C) FAUX : Non il n'en faut pas
- D) FAUX
- E) FAUX

**QCM 16 : AD**

- A) VRAI
- B) FAUX : il y a aussi l'oxaloacétate
- C) FAUX : c'est le N-acétylglutamate
- D) VRAI
- E) FAUX

**QCM 17 : CD**

- A) FAUX : c'est lors du passage du groupement acétyl du TPP sur l'acide lipoïque
- B) FAUX : NADH + H<sup>+</sup> et acétyl-CoA activent la phosphorylation
- C) VRAI
- D) VRAI
- E) FAUX

**QCM 18 : E**

- A) FAUX
- B) FAUX

- C) FAUX : transfert sur un GTP, mais la création de la LHE est faite à l'étape  $\alpha$ -cétooglutarate – succinyl-CoA
- D) FAUX
- E) VRAI

**QCM 19 : BC**

- A) FAUX : Suite à la sortie des protons dans l'EIM.
- B) VRAI
- C) VRAI
- D) FAUX : Substrat de la CRM, l'ATP synthase a pour substrat ADP + Pi.
- E) FAUX

**QCM 20 : ABC**

- A) VRAI
- B) VRAI
- C) VRAI : la première étant la réoxydation du NADH.
- D) FAUX : uniquement le transfert d'électrons.
- E) FAUX